MRNAシーケンス海が キャンペーシ 2018年6月末まで



期間限定 特別キャンペーン価格 ¥ 45,900 4Gb/サンブル

遺伝子発現解析の決定版!!融合遺伝子の探索、非モデル生物の解析が可能。

mRNAシーケンス (RNA-Seq)

- 転写産物を網羅的に読み取ることができるサービスです。
- 取得したデータはリファレンスにマッピングすることで、RNAの定量的なプロファイリングが可能。
- 新規遺伝子や融合遺伝子の探索も。
- 非モデル生物などリファレンスの無い生物種においても、 データの取得や解析が可能。

サービス内容

- total RNA の品質チェック
- ライブラリー調製
- シーケンス
- データ解析(別途オプション)

シーケンス条件

• 使用キット: TruSeq Stranded mRNA Library Prep

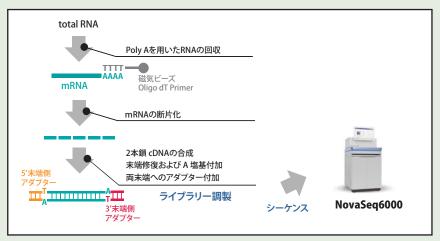
● 使用装置 :NovaSeq6000

• データ量 :4Gb/サンプル, 100bp, paired end

※データ量・シーケンス条件の変更は、ご相談ください。

サンプル条件

● 形態 : total RNA● 必要量 : 1 µg以上● 濃度 : 20 ng / µl以上



使用するキットや取得データ量に変更のご希望がありましたら、お知らせ下さい。また、以前に取得したデータと比較を希望される場合には、使用する装置や使用するキットを揃える必要がありますので、ご相談ください。

販売店

項目名	内容	キャンペーン価格(税別)
mRNAシーケンス (シーケンスまで)	4Gb/サンプル (100bp, paired end)	¥ 45,900 (稅別,特別価格)/sample
データ解析	マッピング 発現値算出 発現変動比較解析	¥ 40,000 (税别,特别価格)/sample

※ 納品はウェブからのダウンロードとなります。ハードディスクでの納品を希望される場合には、別途¥42,500 (税別) が必要です。





【徳島本社】〒771-0360 徳島県鳴門市瀬戸町明神字板屋島124-4 TEL:088-683-7211 FAX:088-683-7212