

受託オンライン

富士フイルム和光純薬 / 北海道システム・サイエンス

SeqNova™ オプションデータ解析

実験系のご提案からその後の詳細なデータ解析処理までトータルサポート

[この製品に関するお問い合わせ](#)

カテゴリ

遺伝子工学 > バイオインフォマティクス > バイオインフォマティクス
 シーケンス（塩基配列）解析 > 次世代シーケンス（NGS）解析 > 次世代シーケンス解析
 シーケンス（塩基配列）解析 > 次世代シーケンス（NGS）解析 > de Novoシーケンス解析
 シーケンス（塩基配列）解析 > 次世代シーケンス（NGS）解析 > 次世代データマイニング

[▼ サービスについて](#)
[▼ ご提供いただくもの](#)
[▼ ご注文に関して](#)
[▼ 参考価格表・納期](#)
[▼ メーカーサイト](#)

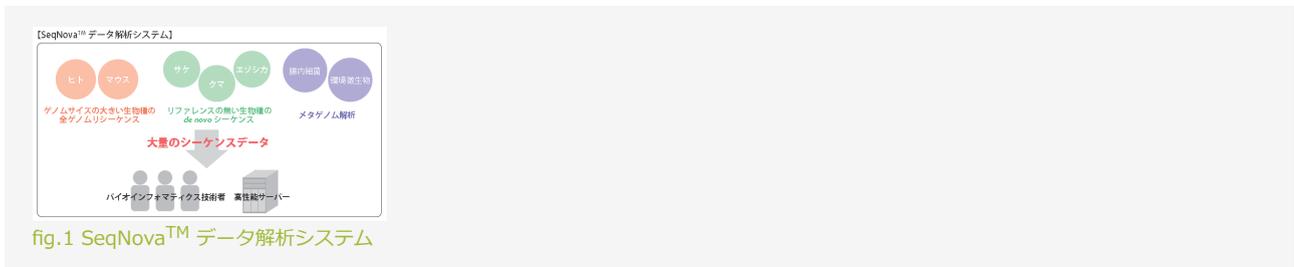
サービスについて

概要

次世代シーケンサーは、遺伝子発現解析やSNP等の変異解析を行う上で非常に有効な解析ツールです。しかし、ゲノム情報のない生物種のゲノム解析を行う場合、次世代シーケンサーから出力された短いリード配列を用いてゲノム配列を再構築する必要があります（de novoアセンブル）。de novoアセンブルはマッピングに比べて計算量が大きく、計算時間が長い上に大量のメモリを必要とします。それは、de novoアセンブルを行うには全てのリード同士の組み合わせを網羅的に比較する必要があるためです。そのため、アセンブルの計算量は断片数と断片長に依存して増大していくので、ゲノムサイズの大きな生物種や多生物種ゲノムが混在する環境サンプル等では莫大なメモリと計算量を要することになります。

ヒトゲノムサイズのde novoアセンブルを行うことが可能な国内最大級の解析サーバーをご用意して皆様のご利用をお待ちしております。新規性の高い技術となりますので、ご希望の解析内容、実験目的等から最適な解析内容をご提案いたします。ご遠慮なくご相談ください。

SeqNova™ データ解析システム (fig.1)



サービス内容

下記「○」を提供しております。

アプリケーション	ゲノム シーケンス	ChIP シーケンス	mRNA シーケンス	small RNA シーケンス
マッピング	○	○	○	○
SNP候補検索	○			
変異解析	○			
頻度解析		○	○	○
de novoアセンブル	○		○	
アノテーション付加	○ 遺伝子予測、 BLAST検索 等	○ 周囲遺伝子情報 の取得 等	○ BLAST検索 等	○ BLAST検索 等
検体間比較	○	○	○	○
二次構造予測				○
専用ビューアー向けデータ加工	○	○	○	○

• サービスの流れ

1. **事前打ち合わせ**
解析目的・作業内容・必要データ量について打ち合わせ、お見積もり
2. **サンプル・依頼書お預かり**
3. **作業内容確認書の発行**
【作業内容確認書】作業内容詳細を担当者よりご案内
4. **サンプル調製**
受入サンプルの品質検査 ライブラリ作製（断片化・アダプタ付加等）
5. **シーケンシング**
次世代シーケンスによる画像イメージ取得
6. **基本データ解析**
ベースコール（配列取得） インデックスタグによるデータ振り分け
7. **オプションデータ解析**
各種アプリケーションに対応する追加データ解析も別途承ります。

▲ ページ先頭へ戻る

ご提供いただくもの

• 必要サンプル量 (fig.2)

サンプルタイプ	サンプル種別	体積	濃度	必要サンプル量
HiSeq (PE/HiFi)	HiSeq用 DNA	1 µl	40 ng/µl以上 (4×)	—
HiSeq (PE/HiFi)	HiSeq用 DNA	5 µl	40 ng/µl以上 (4×)	—
MiSeq Seq. (unstranded)	HiSeq用 DNA	5 µl	40 ng/µl以上 (4×)	—
	HiSeq用 RNA	200 ng	30 ng/µl以上 (4×)	—
Illumina MiSeq Seq.	HiSeq用 DNA	5 µl	40 ng/µl以上 (4×)	—
	HiSeq用 RNA	200 ng	30 ng/µl以上 (4×)	—
Illumina HiSeq. (unstranded)	HiSeq用 DNA	10 µl	100 ng/µl以上 (4×)	—
	HiSeq用 RNA	50 µl	200 ng/µl以上 (4×)	—
Illumina HiSeq. Seq.	HiSeq用 DNA	5 µl	200 ng/µl以上 (4×)	—
	HiSeq用 RNA	200 ng	30 ng/µl以上 (4×)	—
ChIP-Seq	HiSeq用 DNA	50 ng	30 ng/µl以上 (4×)	100~1000pg
	HiSeq用 RNA	5 µl	40 ng/µl以上 (4×)	—
NanoSeq	HiSeq用 DNA	10 µl	200 ng/µl以上 (4×)	—
	HiSeq用 RNA	100 ng	30 ng/µl以上 (4×)	—
ナノポア (GalPase) シーケンシング	HiSeq用 DNA	1 µl	200 ng/µl以上 (4×)	—
	HiSeq用 RNA	100 ng	30 ng/µl以上 (4×)	—
10x Genomics	HiSeq用 DNA	5 µl	200 ng/µl以上 (4×)	~500 pg
	HiSeq用 RNA	5 µl	200 ng/µl以上 (4×)	~500 pg
HiSeq (PE)	HiSeq用 DNA (アダプタ付)	150 ng	5 ng/µl以上 (4×)	1,000 bp未満

fig.2 必要サンプル量

- 濃度測定につきまして
 - * 1 分光光度計での測定は、遊離ヌクレオチド等の夾雑物を検出し正確な値が出ない可能性がありますので、アガロース電気泳動での既知濃度のDNAバンドとの蛍光強度比較による測定を推奨しています。
 - * 2 基本的に分光光度計で問題ございませんが、可能であればAgilent 2100BioAnalyzer等での事前チェックを推奨しております。
 - * 3 分光光度計では正確な測定が出来ない可能性がありますため、市販の2本鎖DNA定量キット（Qubit fluorometer, Quant-iTdsDNA Kit (Invitrogen社) 等）での測定を推奨しております。
 - * 4 RiboZero処理後、RNA-Seq用ライブラリ調製を行います。
- サンプルはNuclease Free Waterに溶解してください。
- ホルマリン固定パラフィン包埋（FFPE）サンプルの場合は、事前にご相談ください。
- サンプルお預かり後、サンプル受け入れ検査を行います。サンプルの濃度が希薄である場合や分解が見られる場合等、作業中止もしくはサンプルの再提出をお願いすることがございます。予めご了承ください。
- サンプル量が上記に満たない場合でも解析可能な場合がございます。ご相談ください。
- サンプル送付方法
注文書受領後、サンプル送付セット（梱包用の箱等）をお送りいたします。
サンプルの凍結融解は避け、ドライアイス（5kg程度）を同梱の上メーカーへお送りください。

▲ ページ先頭へ戻る

ご注文に関して

お問い合わせフォーム よりお問い合わせください。

✉ この製品に関するお問い合わせ

▲ ページ先頭へ戻る

参考価格・納期

サービス項目	価格	納期
SeqNova™ オプションデータ解析	お問い合わせ	お問い合わせ

[▲ ページ先頭へ戻る](#)

関連サイト

[🔗 メーカーサイト](#)[🏠 キャンペーン情報](#)[📺 機器オンライン](#)[🏠 ホームページ](#)[▲ ページ先頭へ戻る](#)

※価格及び、サービスの仕様・内容などにつきまして、予告なしに変更されることがあります。

※表示している参考価格は消費税等は含まれておりません。

※受託サービスは、すべて研究目的として作業を行います。その他の目的（医療品・食品の製造・品質管理や医療診断など）には使用しないで下さい。

※納期は参考納期です。諸事情により、前後する場合がございます。納期の詳細については個別にお問い合わせください。

※会社名・サービス名などは、各社の商標・登録商標です。

※納品物によっては、その構成物（例えば、ベクター、蛍光色素など）の使用に制限がある場合があります。

※ヒト臨床サンプルの場合はインフォームドコンセントを得ていることをご確認ください。

ヒト由来のサンプルの場合、ご所属の組織の倫理委員会などで承認が得られたものが受領されます。

※人間への感染性が疑われるサンプルに関しては、お受けできない場合がございます。

※サンプルの保管および返却を行っていない場合があります。お客様より提供いただいたサンプルおよび解析データ等は、業務終了後、廃棄される場合がございます。

[▲ ページ先頭へ戻る](#)